

Curriculum Vitae Europass

Informazioni personali

Nome e Cognome

Katia Todoerti

E-mail

katia.todoerti@istitutotumori.it

Cittadinanza

Italiana

Esperienza professionale

Date Lavoro o posizione ricoperti

11.01.2025 - presente

Collaborazione professionale – 36 mesi

Principali attività e responsabilità
Nome e indirizzo del datore di lavoro
Tipo di attività o settore

Realizzazione e validazione di pipeline computazionali per analisi omiche su dati prodotti mediante piattaforme NGS

Dipartimento Servizi e Diagnostica Avanzata, Struttura complessa Anatomia patologica 2, IRCCS Istituto Nazionale Tumori di Milano

Svolgimento di progetti collaborativi nella analisi di sequenziamento mediante metodica DSP (Digital Spatial Profiling) o di RNA totale in diversi tumori solidi, nello studio della interazione con il microambiente

11.01.2022 - 10.01.2025

Collaborazione professionale – 36 mesi

Sviluppo e applicazione di procedure di analisi bioinformatica di dati generati mediante sequenziamento di RNA totale, a singola cellula o DSP nello studio di tumori solidi ed ematologici

Dip. Patologia e Medicina di laboratorio, IRCCS Istituto Nazionale Tumori di Milano

01.01.2021 - 31.12.2021

01.03.2020 - 31.12.2020

01.03.2019 - 29.02.2020

Borse di studio per attività di ricerca

Progetti: Gestione di studi clinico-biologici relativi a neoplasie ematologiche

Lab. Ematologia 1, Fondazione IRCCS Ca' Granda Ospedale Maggiore Policlinico di Milano

01.08.2018 - 31.01.2019

Contratto di collaborazione esterna

Progetto: Analisi di espressione di RNA lunghi non-codificanti in pazienti affetti da Mieloma Multiplo, dopo trattamento con agenti immunomodulatori

Dip. Medicina Interna e Specialità mediche, Università di Genova

01.01.2018 - 31.12.2018

Borsa di studio per attività di ricerca (Fondazione Umberto Veronesi)

Progetto: Analisi funzionale di RNA lunghi non-codificanti deregolati in discrasie plasmacellulari

Dip. Oncologia ed Emato-oncologia, Università degli Studi di Milano; Lab. Ematologia 1, Policlinico di Milano

01.01.2013 - 31.12.2017

Contratto di collaborazione a progetto

Progetto: Definizione della "signature" epigenetica nel Mieloma Multiplo, mediante profilo ad alta risoluzione di metilazione globale ed analisi integrata con alterazioni genomiche e profili di espressione genica e di microRNA

Lab. Ricerca Pre-Clinica e Traslazionale, Centro di Riferimento Oncologico della Basilicata, IRCCS CROB, Rionero in Vulture (PZ)

PI di progetto multi-centrico Giovani Ricercatori, finanziato dal Ministero della Salute, Ricerca Finalizzata 2010.

Codice progetto: RICERCA FINALIZZATA GR-2010-2320635

durata: 4 anni; Finanziamento: € 371.200

01.11.2010 - 31.10.2012

Assegno di ricerca

Progetto: Studio del ruolo dei microRNA nel Mieloma Multiplo, analisi genomica integrata

Dip. Scienze Mediche, Università degli Studi di Milano; Lab. Genetica Molecolare, U.O. Ematologia 1, Policlinico Milano

01.11.2008 - 31.10.2010

Assegno di ricerca

Progetto: Microambiente midollare e clone neoplastico nel mieloma multiplo; identificazione di vie di segnale e potenziali bersagli molecolari

Dip. Scienze Mediche, Università degli Studi di Milano; Lab. Genetica Molecolare, U.O. Ematologia 1, Policlinico di Milano

01.01.2006 - 31.12.2008

Borsa di studio triennale per attività di ricerca (Fondazione Italiana per la Ricerca sul Cancro, FIRC)

Progetto: Analisi genomica del profilo di espressione genica globale nel Mieloma Multiplo

Lab. Genetica Molecolare, U.O. Ematologia 1, Policlinico di Milano

01.01.2005 - 31.12.2005

Borsa di studio per attività di ricerca

Progetto: Analisi del profilo di espressione genica in pazienti affetti da Mieloma Multiplo e portatori di diverse traslocazioni cromosomiche al locus delle immunoglobuline IgH

Lab. Genetica Molecolare, U.O. Ematologia 1, Policlinico di Milano

01.01.2004 - 31.12.2004

Borsa di studio per attività di ricerca FIRC

Progetto: Studio del ruolo funzionale delle proteine MMSET nel Mieloma Multiplo

Lab. Genetica Molecolare, U.O. Ematologia 1, Policlinico di Milano

Istruzione e formazione	17.12.2023 Abilitazione Scientifica Nazionale alle funzioni di professore universitario di Seconda Fascia nel Settore Concorsuale 06/N1 - SCIENZE DELLE PROFESSIONI SANITARIE E DELLE TECNOLOGIE MEDICHE APPLICATE (scadenza 17/12/2035).
	13.02.2023 Abilitazione Scientifica Nazionale alle funzioni di professore universitario di Seconda Fascia nel Settore Concorsuale 06/A2 - PATOLOGIA GENERALE E PATOLOGIA CLINICA (scadenza 13/02/2035)
	22.01.2019 Il level Master Bioinformatics and Functional Genomics <i>Progetto: Analisi multi-omica fattoriale (MOFA) sullo studio MMRF CoMMpass del Mieloma Multiplo</i> Acquisizione di linguaggi di programmazione R e python, metodiche di analisi bioinformatica di dati multi-omici da sequenziamento di ultima generazione.
	Nome dell'istituzione erogatrice della istruzione e formazione Istituto Nazionale di Genetica Molecolare (INGM), Fondazione IRCCS Ca' Granda Ospedale Maggiore Policlinico di Milano e Università degli Studi di Milano; 01.10.2018 - 31.01.2019 Internato Master Centro di Genomica Traslaazionale e Bioinformatica, IRCCS Ospedale San Raffaele di Milano
Competenze personali	16.02.2009 Dottorato di Ricerca in Ematologia Sperimentale <i>Progetto: Acquisizione e applicazione di metodiche di analisi multi-omica integrata nella analisi di dataset di pazienti affetti da discrasie plasmacellulari, in relazione alle principali caratteristiche molecolari e cliniche</i> Università degli Studi di Milano
	Madrelingua Italiana
	Altra(e) lingua(e) Auto-valutazione Inglese <i>Comprensione (ascolto, lettura), Parlato (interazione orale, produzione orale), Scritto: Ottimo</i>
	Patente B

Capacità e competenze sociali	Ottima capacità di comunicazione e presentazione di dati a contenuto scientifico. Partecipazione a numerosi congressi nazionali ed europei in qualità di relatore.
Capacità e competenze organizzative	Ottima capacità organizzativa e gestionale del lavoro di ricerca di progetti interni e di progetti di collaborazione esterna con diversi gruppi di ricerca nazionali ed internazionali; ottima capacità gestionale dell'aspetto scientifico e di rendicontazione economica di progetti multi-centrici; ottima capacità di lavoro in gruppo, di formazione e trasferimento competenze.
Capacità e competenze tecniche	Metodiche di biologia cellulare: colture di linee cellulari, trasfezione, analisi di trascrizione genica, analisi di espressione di proteine (Western blot, immunofluorescenza, immunoprecipitazione); biologia molecolare: clonaggio genico, PCR, PCR quantitativa, metodiche di analisi con microarray (genomica, espressione di RNA codificante/non-codificante, metilazione) di diverse piattaforme (Affymetrix, Illumina).
Capacità e competenze informatiche	Ambiente operativo Windows, Linux Ubuntu; "High Performance Computing" (HPC); linguaggio di programmazione statistica R, python (base); software e pipeline per la gestione e analisi di dati multi-omici generati da microarray o mediante approcci di sequenziamento di nuova generazione: RNA totale, a singola cellula, trascrittomica spaziale; analisi genomica funzionale; approcci di gestione/manipolazione di dati genomici in database pubblici; approcci di analisi integrata; strumenti di manipolazione grafica.
Altre competenze	Attività di docenza: Alta Formazione ITS, realizzazione di tre progetti formativi in scienze della nutrizione Collaborazione professionale, nel periodo 16.10.2024 – 10.07.2025 Istituto Tecnico Superiore, Galdus, Milano Partecipazione a Corsi: - <i>R for biological data. R4BD.</i> EuroClone Spa, Pero (MI), 18-19 Novembre, 2017. - <i>Corso di Euro-progettazione.</i> Istituto Europeo per lo Sviluppo Socio-Economico (ISES), Alessandria, 15-16 gennaio, 2015. - <i>Cytoscan join the Resolution Revolution Workshop.</i> Roma, 10 maggio, 2012. - <i>Data EXON 1.0 ST arrays analysis Course.</i> Orbassano (TO), 24-26 giugno, 2008 - <i>Partek training Workshop.</i> Londra, 6-7 Maggio, 2008 - <i>Exon and Partek Workshop.</i> Milano, 5 Dicembre, 2007. - <i>International Summer School on statistical inference in biology and human sciences, BIOSTAT2006.</i> Università del Piemonte Orientale, Asti, 27 giugno-7 luglio, 2006. Partecipazione a Convegni: - <i>Festival of Genomics & Biodata.</i> Londra, 29-30 gennaio, 2020. - <i>Convegno SIES sui microRNA.</i> Firenze, 22 novembre, 2012. - <i>Workshop sulla medicina traslazionale nel mieloma multiplo.</i> Milano, 11 ottobre, 2010. - <i>Updates on microRNA Research Workshop (EuroClone).</i> Milano, 6 luglio, 2010. - <i>Convegno sulle nuove acquisizioni e prospettive nella terapia del mieloma multiplo.</i> Parma, 12 giugno 2009. - <i>RNAi Workshop (Celbio).</i> Milano, 15 maggio, 2008.

- *The ESH Euroconference on Multiple Myeloma and other Monoclonal Gammopathies*. Cascais, 6-9 marzo, 2008.
- *4th Corso sui tumori ematologici*. Milano, 16 novembre, 2007
- *The RNA symposia series: Messenger, Micro and Interfering*. Milano, 15 novembre, 2006.

Partecipazione a Congressi in qualità di relatore:

- *Transcriptomic signature and immune infiltrate in metastatic collecting duct renal cell carcinoma patients treated with first line Cabozantinib: results of exploratory endpoints from BONSAI trial (Meeturo 2)*. Presentazione Poster, Congresso ESMO 2022. Parigi, 9-13 settembre 2022.
- *Molecular landscape of metastatic collecting ducts renal cell carcinoma in a phase 2 prospective trial of Cabozantinib as first-line treatment (BONSAI trial Meeturo 2)*, Congresso annuale ASCO, 3-7 Giugno 2022. Presentazioni poster (co-autore)
- *48th Congresso Nazionale della Società Italiana di Ematologia, SIE*. Milano, 24-27 ottobre, 2021. Presentazione poster.
- *Personalized medicine in hematology: focus on Multiple myeloma. Convegno AMGEN*. Napoli, 12 ottobre, 2017: Presentazione orale: *Identification of MRD in Multiple Myeloma: Next Generation Sequencing*.
- *Novel insights in biology myeloma: the seed and soil*. Catania, 17-18 febbraio, 2017. Presentazione orale.
- *14th Congresso Nazionale della Società Italiana di Ematologia Sperimentale, SIES*. Rimini, 19-21 ottobre, 2016. Presentazione orale.
- *Meeting sugli Stati Generali della Ricerca*. Roma, 27-28 aprile, 2016. Presentazione poster Progetto Giovani Ricercatori.
- *45th Congresso Nazionale della Società Italiana di Ematologia, SIE*. Firenze, 4-7 ottobre, 2015. Presentazioni orali e poster.
- *Convegno sulla ricerca medica all' IRCCS CROB: risultati nel 2014 e prospettive per il 2015*. Rionero in Vulture (PZ), 17-18 dicembre, 2014. Presentazione orale Progetto Giovani Ricercatori.
- *13th Congresso Nazionale SIES*. Rimini, 15-17 ottobre, 2014. Presentazioni orali.
- *Investigator Research Meeting-Preclinical study and Translational research*. Napoli, 23 settembre, 2014. Presentazione orale selezionata, come primo autore della pubblicazione: *Transcriptional Characterization of a Prospective Series of Primary Plasma Cell Leukemia Revealed Signatures Associated with Tumor Progression and Poorer Outcome*.
- *19th European Hematology Association (EHA) Congress, Hematology Medical Congress*. Milano, 12-15 giugno, 2014. Presentazione poster.
- *Convegno sulla ricerca traslazionale e diagnostica oncologica avanzata all' IRCCS CROB: risultati nel 2013 e prospettive per il 2014*. Rionero in Vulture (PZ), 16 dicembre, 2013. Presentazione orale Progetto Giovani Ricercatori.
- *Final Contest of Under 40 in Hematology 2013*. Torino, 14-15 novembre, 2013. Presentazione orale selezionata, come primo autore della pubblicazione: *Transcriptional Characterization of a Prospective Series of Primary Plasma Cell Leukemia Revealed Signatures Associated with Tumor Progression and Poorer Outcome*.
- *44th Congresso Nazionale SIE*. Verona, 20-23 ottobre, 2013. Presentazioni poster.
- *12th Congresso Nazionale SIES*. Roma, 17-19 ottobre, 2012. Presentazione orale.
- *16th EHA Congress*. Londra, 9-12 giugno, 2011. Presentazione orale (co-autore).
- *11th Congresso Nazionale SIES*. Torino, 6-8 ottobre, 2010. Presentazione poster.
- *14th EHA Congress*. Berlino, 4-7 giugno, 2009. Presentazione poster.
- *10th Congresso Nazionale SIES*. Bari, 24-26 settembre, 2008. Presentazione orale.
- *49th Congresso Nazionale della Società Italiana di Cancerologia (SIC)*. Pordenone, 26-29 novembre, 2007. Presentazione poster.
- *40th Congresso Nazionale SIE*. Bergamo, 3-6 luglio, 2005. Presentazione poster.
- *13th Congresso Nazionale SIES*. Pavia, 14-16 settembre, 2004. Presentazione orale.

Sommario delle Pubblicazioni scientifiche:

Pubblicazioni totali: **122** (indicizzate su PubMed dal 2005 ad oggi)

h-index: **41** (calcolato su 120 pubblicazioni, sorgente: Scopus, 9 gennaio 2026)

Citazioni totali: **4279** (sorgente: Scopus, 9 gennaio 2026)

Scopus Author ID: 12445407000; <https://orcid.org/0000-0001-6687-6871>

Lista delle pubblicazioni scientifiche/capitoli di libro come primo autore:

1. Mazzoni M, **Todoerti K**, Agnelli L, Minna E, Pagliardini S, Di Marco T, Borrello MG, Neri A, Greco A. Transcriptomic landscape of TIMP3 oncosuppressor activity in thyroid carcinoma. *Cancer Cell Int.* 2022. **IF 2024: 5.3**
2. **Todoerti K**, Ronchetti D, Favasuli V, Maura F, Morabito F, Bolli N, Taiana E, Neri. DIS3 mutations in multiple myeloma impact the transcriptional signature and clinical outcome. *Haematologica* 2022. **IF 2024: 8.2**
3. **Todoerti K**, Ronchetti D, Puccio N, Silvestris I, Favasuli V, Amodio N, Gentile M, Morabito F, Neri A, Taiana E. Dissecting the Biological Relevance and Clinical Impact of lncRNA MIAT in Multiple Myeloma. *Cancers (Basel)* 2021. **IF 2024: 4.55**
4. **Todoerti K**, Gallo Cantafio ME, Oliverio M, Juli G, Rocca C, Citraro R, Tassone P, Procopio A, De Sarro G, Neri A, Viglietto G, Amodio N. Oleil Hydroxytyrosol (HTOL) Exerts Anti-Myeloma Activity by Antagonizing Key Survival Pathways in Malignant Plasma Cells. *Int J Mol Sci.* 2021. **IF 2024: 4.9**
5. **Todoerti K**, Taiana E, Puccio N, Favasuli V, Lionetti M, Silvestris I, Gentile M, Musto P, Morabito F, Gianelli U, Bolli N, Baldini L, Neri A, Ronchetti D. Transcriptomic Analysis in Multiple Myeloma and Primary Plasma Cell Leukemia with t(11;14) Reveals Different Expression Patterns with Biological Implications in Venetoclax Sensitivity. *Cancers (Basel).* 2021. **IF 2024: 4.55**
6. **Todoerti K**, Ronchetti D, Manzoni M, Taiana E, Neri A, Agnelli L. Bioinformatics Pipeline to Analyze lncRNA Arrays. *Methods Mol Biol.* 2021. (capitolo di libro)
7. **Todoerti K**, Ronchetti D, Favasuli V, Maura F, Morabito F, Bolli N, Taiana E, Neri A. DIS3 mutations in Multiple Myeloma impact the transcriptional signature and clinical outcome. *Haematologica*, 2021. **IF 2024: 8.2**
8. Ronchetti D, **Todoerti K**, Vinci C, Favasuli V, Agnelli L, Manzoni M, Pelizzoni F, Chiaramonte R, Platonova N, Giuliani N, Tassone P, Amodio N, Neri A and Taiana E. Expression Pattern and Biological Significance of the lncRNA ST3GAL6-AS1 in Multiple Myeloma. *Cancers (Basel)*, 2020. **IF 2024: 4.55**
9. **Todoerti K**, Calice G, Trino S, Simeon V, Lionetti M, Manzoni M, Fabris S, Barbieri M, Pompa A, Baldini L, Bollati V, Zoppoli P, Neri A, Musto P. Global methylation patterns in primary plasma cell leukemia. *Leuk Res.* 2018. **IF 2024: 2.1**
10. Simeon V, **Todoerti K**, La Rocca F, Caivano A, Trino S, Lionetti M, Agnelli L, De Luca L, Laurenzana I, Neri A, Musto P. Molecular Classification and Pharmacogenetics of Primary Plasma Cell Leukemia: An Initial Approach toward Precision Medicine. *Int J Mol Sci.* 2015. Review. **IF 2024: 4.9**
11. **Todoerti K**, Agnelli L, Fabris S, Lionetti M, Tuana G, Mosca L, Lombardi L, Grieco V, Bianchino G, D'Auria F, Statuto T, Mazzocchi C, De Luca L, Petrucci MT, Morabito F, Offidani M, Di Raimondo F, Falcone A, Omede' P, Tassone P, Boccadoro M, Palumbo A, Neri A, Musto P. Transcriptional Characterization of a Prospective Series of Primary Plasma Cell Leukemia Revealed Signatures Associated with Tumor Progression and Poorer Outcome. *Clin Cancer Res.* 2013. **IF 2024: 10**
12. **Todoerti K**, Lisignoli G, Storti P, Agnelli L, Novara F, Manferdini C, Codeluppi K, Colla S, Crugnola M, Abeltino M, Bolzoni M, Sgobba V, Facchini A, Lambertenghi-Deliliers G, Zuffardi O, Rizzoli V, Neri A, Giuliani N. Distinct transcriptional profiles characterize bone microenvironment mesenchymal cells rather than osteoblasts in relationship with multiple myeloma bone disease. *Exp Hematol.* 2010. **IF 2024: 2.5**

13. **Todoerti K**, Barbui V, Pedrini O, Lionetti M, Fossati G, Mascagni P, Rambaldi A, Neri A, Introna M, Lombardi L, Golay J. Pleiotropic anti-myeloma activity of ITF2357: inhibition of interleukin-6 receptor signaling and repression of miR-19a and miR-19b. *Haematologica*. 2010. **IF 2024: 8.2**
14. Ria R, **Todoerti K**, Berardi S, Coluccia AM, De Luisi A, Mattioli M, Ronchetti D, Morabito F, Guarini A, Petrucci MT, Dammacco F, Ribatti D, Neri A, Vacca A. Gene expression profiling of bone marrow endothelial cells in patients with multiple myeloma. *Clin Cancer Res*. 2009. **IF 2024: 10**
15. **Todoerti K**, Ronchetti D, Agnelli L, Castellani S, Marelli S, Deliliers GL, Zanella A, Lombardi L, Neri A. Transcription repression activity is associated with the type I isoform of the MMSET gene involved in t(4;14) in multiple myeloma. *Br J Haematol*. 2005. **IF 2024: 5.1**

Io sottoscritta ai sensi e per effetti delle disposizioni contenute negli articoli 46 e 47 del decreto del Presidente della Repubblica 28.12.2000 n 445 e consapevole delle conseguenze delle dichiarazioni mendaci ai sensi dell'articolo 76 del decreto DPR 445/2000, sotto la propria responsabilità, dichiara che le informazioni contenute nel seguente curriculum corrispondono al vero.

Milano, 09.01.2026